

Master projects opened in Geneva for 2 Students in:
-either Computer Science
-or Biology (but strong interests for Bioinformatics)

In-silico whole genome comparisons for the analysis of genome, transcriptome, & interactome evolution

In the context of MANTiS, an application system for genome comparisons within an explicit phylogenetic framework and integrating functional + expression data, we are seeking creative and highly motivated computer-science students or biology students with a strong interest in genome molecular evolution. Each Master Project can last 4 to 12 months. For students living in Lausanne, refunding of travel expenses is negotiable.

The successful candidates will use but also develop new functionalities in the existing software system (see www.mantisdb.org) for investigating how genomes and multigene families evolve in the context of gene function, expression and involvement in protein-protein interaction networks.

Applications: Please send (combined into one single pdf file) a brief letter of interest, your CV, as well as contact information of two references to: Michel Milinkovitch (*Michel.Milinkovitch [at] unige [dot] ch*), Laboratory of Artificial & Natural Evolution, University of Geneva, Switzerland.



Projets de Mastère à Genève pour 2 étudiants:

-soit en informatique
-soit en biologie (mais un intérêt majeur pour la bioinformatique)

Comparaisons in-silico de génomes complets pour l'analyse de l'évolution des génomes, des transcriptomes, et des interactomes

Dans le contexte de MANTiS, une application informatique pour la comparaison de génomes dans un contexte phylogénétique intégrant des données fonctionnelles et d'expression, nous recherchons des étudiants en informatique ou en biologie, motivés et créatifs, avec un solide intérêt pour l'évolution des génomes. Chaque projet aura une durée de 4 à 12 mois. Pour les étudiants Lausannois, le remboursement des déplacements est négociable.

Les candidats sélectionnés utiliserons, mais développerons aussi de nouvelles fonctionnalités dans, le logiciel MANTiS (cf. www.mantisdb.org) pour étudier l'évolution des génomes et des familles multigéniques dans le contexte fonctionnel, d'expression, et d'appartenance à des réseaux d'interaction protéine-protéine.

Applications: SVP, envoyez (sous la forme d'un seul fichier PDF) une courte lettre de motivation, votre CV, ainsi que les informations de contact de deux personnes de références, à: Michel Milinkovitch (*Michel.Milinkovitch [at] unige [dot] ch*), Laboratory of Artificial & Natural Evolution, University of Geneva, Switzerland.